

盛焕精



基本信息

性别：男 籍贯：四川省邛崃市 出生日期：1994年2月
英语：CET-6 邮箱：shenghuanjing@163.com 电话：13021350946

教育经历

时间	学校/单位	专业	学历	导师
2024.01-2024.07	国家食品安全风险评估中心	/	联培博士	白莉 研究员
2020.09-2024.06	西北农林科技大学	食品科学与工程	博士	杨保伟 教授
2017.09-2020.06	西北农林科技大学	食品科学与工程	硕士	杨保伟 教授
2013.09-2017.06	天津科技大学	食品科学与工程	学士	张民 教授

工作经历

2024.11-2026.10 中国农业大学 兽医学流动站 博士后 汪洋 教授（院长）

研究方向

[1] 基因组与耐药组融合的食物源性致病菌耐药性形成和发展机制；[2] 食品生产中有害菌的溯源和安全控制

主持/参与项目

- 国家自然科学基金青年项目: ST198肯塔基沙门菌染色体整合 bla_{CTX-M} 的形成机制, 2026.01-2028.12, **主持**
- 深圳市医学研究专项资金: 基于“One Health”视角的人群肠道耐药组定植驱动机制与风险预警研究, 2026.01-2029.12, **参与**
- 国家自然科学基金面上项目: 基于GWAS和TWAS的食物源性沙门氏菌氟喹诺酮类抗生素耐药新机制, 2023.01-2026.12, **参与**
- “十四五”国家重点研发计划: 畜禽病原耐药性产生与传播机制, 2022.11-2025.12, **参与**
- “十三五”国家重点研发计划: 食物源性微生物耐药参考物质研究与评价, 2018.01-2021.12, **参与**
- 国家自然科学基金面上项目: 基于ESBLs的食物源性沙门氏菌耐药性传播和产生机制, 2017.01-2020.12, **参与**

第一/通讯作者发表论文（累计影响因子52.0，其中SCI一区论文7篇，EI论文1篇）

- Sheng H.**, Suo J., Yan Y., Lü Z., Yang Q., Li J., Wang Y., Zhou W., Yang B. Prevalence, plasmid transmission, and chromosomal integration of bla_{CTX-M} genes in *Salmonella* isolated from retail chicken and pork meats in China. *Food Research International*. 2026;238:119421. (**一区, IF=8.0**)
- Sheng H.**, Suo J., Wang X., Lü Z., Wang S., Yang Q., Li J., Li W., Chen J., Yang B. Global prevalence and transmission of the *mcr-9* in *Salmonella*: A genomic study with insights from *Salmonella enterica* serovar Thompson isolated from poultry food in China. *Food Research International*. 2025;202:115763. (**一区, IF=8.0**)
- Sheng H.**, Zhao L., Suo J., Yang Q., Cao C., Chen J., Cui G., Fan Y., Ma Y., Huo S., Wu X., Yang T., Cui X., Chen S., Cui S., Yang B. Niche-specific evolution and gene exchange of *Salmonella* in retail pork and chicken. *Food Research International*. 2024;197:115299. (**一区, IF=8.0**)

- [4] **Sheng H.**, Suo J., Dai J., Wang S., Li M., Su L., Cao M., Cao Y., Chen J., Cui S., Yang B. Prevalence, antibiotic susceptibility and genomic analysis of *Salmonella* from retail meats in Shaanxi, China. *International Journal of Food Microbiology*. 2023;403:110305. (一区, IF=5.2)
- [5] **Sheng H.**, Ma J., Yang Q., Li W., Zhang Q., Feng C., Chen J., Qin M., Su X., Wang P., Zhang J., Zhou W., Zhao L., Bai L., Cui S., Yang B. Prevalence and characteristics of *mcr-9*-positive *Salmonella* isolated from retail food in China. *LWT*. 2022;160:113261. (一区, IF=6.6)
- [6] **Sheng H.**, Huang J., Han Z., Liu M., Lü Z., Zhang Q., Zhang J., Yang J., Cui S., Yang B. Genes and proteomes associated with increased mutation frequency and multidrug resistance of naturally occurring mismatch repair-deficient *Salmonella* hypermutators. *Frontiers in Microbiology*. 2020;11:770. (二区, IF=4.5)
- [7] Yang Q., Zhang J., Chen T., Li M., Li M., **Sheng H***, Cui S*, Yang B*. Global prevalence and distribution of *bla*-harboring *Salmonella*: A genome-wide association study of cephalosporin resistance mechanisms. *Food Microbiology*. 2026:105093. (一区, IF=4.6)
- [8] Li H#, **Sheng H#**, Zhao J., Zhang X., Li M., Zhao L., Li L., Zhang X., Yang B., Fanning S., Wang Y., Yan S., Bai L. Emerging threats: *Listeria monocytogenes* with acquired multidrug resistance from food in China, 2012–2022. *International Journal of Food Microbiology*. 2025;439:111236. (一区, IF=5.2)
- [9] Zhang P#, Liu L#, **Sheng H#**, Zhang M., Wang T., Chang G., Wang Y., Bai L., Wang X. Antibiotic resistance and genomic analysis of Shiga toxin-producing *Escherichia coli* from dairy cattle, raw milk, and farm environment in Shaanxi province, China. *Foodborne Pathogens and Disease*. 2024;21(10):624-33. (三区, IF=1.9)
- [10] **盛焕精**, 李怡澜, 王泽维, 牛沁雅, 孟令缘, 曹晨阳, 李伟, 廉鲁昕, 杨保伟. IncI1和IncN质粒阳性沙门氏菌耐药及质粒接合转移特征 [J]. *食品科学*, 2020, 41(18): 77-84. (EI)

生信培训

2021.08	华大基因学院	细菌比较基因组分析
2021.07-2022.07	青岛同源基因科技有限责任公司	生物信息年度培训

科研技能

- [1] 实验技能：熟练掌握食源性致病菌流行病学调查、微生物学检测及分子生物学分析等相关技术
- [2] 生物信息：熟练掌握 Linux 及 R 软件，可开展宏基因组、细菌基因组数据分析，用于食品安全研究
- [3] 统计建模：熟悉食源性致病菌数据的描述性统计、回归分析和机器学习方法，用于食品安全风险评估

社会兼职

- 中国畜牧兽医学学会兽医食品卫生学分会会员
- 《One Health Advances》《Foodborne Pathogens and Disease》《中国兽医杂志》审稿人

荣誉奖项

2022年3月 中国商业联合会科学技术奖三等奖 (6/10)